

**FLPP**

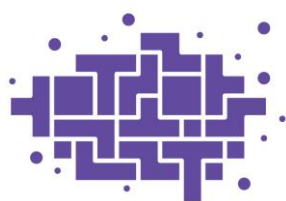
FUNDAMENTĀLO UN  
LIETIŠĶO PĒTĪJUMU  
PROJEKTI

## Projekta Izp-2018/2-0361 rezultāti

Uz pilna genoma analīzi balstīts vides *Listeria* ģints baktēriju raksturojums un to nozīme atgremotāju listeriozē un sabiedrības veselībā

*Oriģināli zinātniskie raksti, kas publicēti zinātniskos žurnālos, rakstu krājumos vai konferenču rakstu krājumos, kuri ir indeksēti datu bāzēs Web of Science Core Collection, SCOPUS vai ERIH PLUS:*

1. Terentjeva, M.; Šteingolde, Ž.; Meistere, I.; Elferts, D.; Avsejenko, J.; Streikiša, M.; Gradovska, S.; Alksne, L.; Ķibilds, J.; Bērziņš, A. Prevalence, genetic diversity and factors associated with distribution of *Listeria monocytogenes* and other *Listeria* spp. in cattle farms in Latvia. - *Pathogens*, 2021, 10 (7), <https://doi.org/10.3390/pathogens10070851>
2. Šteingolde, Ž.; Meistere, I.; Avsejenko, J.; Ķibilds, J.; Bergšpica, I.; Streikiša, M.; Gradovska, S.; Alksne, L.; Roussel, S.; Terentjeva, M.; Bērziņš, A. Characterization and Genetic Diversity of *Listeria monocytogenes* Isolated from Cattle Abortions in Latvia, 2013–2018. - *Vet. Sci.*, 2021, 8 (9), <https://doi.org/10.3390/vetsci8090195>
3. Gradovska, S.; Šteingolde, Ž.; Ķibilds, J.; Meistere, I.; Avsejenko, J.; Streikiša, M.; Alksne, L.; Terentjeva, M.; Bērziņš, A. Genetic diversity and known virulence genes in *Listeria innocua* strains isolated from cattle abortions and farm environment. - *Vet. Animal Sci.*, 2023, 19, <https://doi.org/10.1016/j.vas.2022.100276>



**FLPP**

FUNDAMENTĀLO UN  
LIETIŠĀO PĒTĪJUMU  
PROJEKTI