

## Projekta Izp-2020/2-0111 rezultāti

### Genoma nestabilitātes nozīmes vīriešu neauglībā izpēte

*Oriģināli zinātniskie raksti, kas publicēti zinātniskos žurnālos, rakstu krājumos vai konferenču rakstu krājumos, kuri ir indeksēti datu bāzēs Web of Science Core Collection, SCOPUS vai ERIH PLUS*

1. Alksere, B.; Puzuka, A.; Lazovska, M.; Vainselbaum, N. M.; Vasilonoks, J. K.; Penka, E.; Fodina, V.; Erenpreiss, J. Exploring the Potential of Exome Sequencing in Idiopathic Azoospermia: A Genetic Burden and Network Analysis Study. – *Andrologia*, 2023, <https://doi.org/10.1155/2023/3107568>.
2. Alksere, B.; Puzuka, A.; Gailīte. L.; Vasilonoks, J. K.; Penka, E.; Fodina, V.; Erenpreiss, J.; Vilne, B.; Uribe, S. The diagnostic value of whole exome sequencing in non-obstructive azoospermia patients, - *Basic and Clinical Andrology*, 2022, <https://isc.rsu.lv/wp-content/uploads/2022/05/RSU-ISC-2022-Abstract-book-Health-Sciences.pdf>

#### *Zinātniskās datubāzes un datu kopas*

1. Alksere, B.; Puzuka, A.; Gailīte. L.; Vasilonoks, J. K.; Penka, E.; Fodina, V.; Erenpreiss, J.; Vilne, B.; Uribe, S. Genoma nestabilitātes nozīmes vīriešu neauglībā izpēte, 2021, <https://dataverse.rsu.lv/>